

蛋白质组试高丰度去除试剂盒纳米颗粒说明书

产品名称	产品编号
深度血液蛋白质组试剂盒	PRHS039

一、产品概述

本产品利用纳米磁珠技术，针对血液中低丰度蛋白进行高效富集，适用于血浆、血清、尿液、脑脊液等样本的蛋白质组学研究。通过特异性吸附和富集，本产品能有效降低高丰度蛋白的干扰，提高低丰度蛋白的检测效率和准确性。

二、产品特点

高效富集：本产品能够富集数千种低丰度蛋白，满足蛋白质组学研究的需要。

高特异性：纳米磁珠具有特异性吸附能力，能够实现对目标蛋白的精准富集。

操作简便：无需复杂的预处理步骤，只需简单操作即可完成富集过程。

兼容性强：本产品完美兼容 Orbitrap（赛默飞），TimsTOF（布鲁克），SCIEX 等多型号 LC-MS/MS 质谱仪，均可获取高深度蛋白质组数据结果，方便用户进行后续分析。

三、参考文献

1. Gharibi H, Ashkarran A A, Jafari M, et al. A uniform data processing pipeline enables harmonized nanoparticle protein corona analysis across proteomics core facilities[J]. Nature Communications, 2024, 15(1): 342.
2. Blume J E, Manning W C, Troiano G, et al. Rapid, deep and precise profiling of the plasma proteome with multi-nanoparticle protein corona[J]. Nature communications, 2020, 11(1): 3662.
3. Ferdosi S, Tangeysh B, Brown T R, et al. Engineered nanoparticles enable deep proteomics studies at scale by leveraging tunable nano-bio interactions[J]. Proceedings of the National Academy of Sciences, 2022, 119(11): e2106053119.

四、常见问题解答

Q: 为什么选择本试剂盒？

A: 本试剂盒具有操作简便、高效性、适用性广和标准化等特点，可确保实验结果的准确性和可靠性。

Q: 如何判断蛋白质抽提效果？

A: 可通过 SDS-PAGE 电泳等方法检测抽提蛋白质的纯度和浓度，以评估抽提效果。

希望以上说明书内容能够满足您的需求。如有任何疑问或需要进一步了解产品信息，请随时与我们联系。

Q: 上机后搜库参数如何设置？

A: 本项目未有烷基化，故无需加入固定修饰 Carbamidomethyl (C)，酶切方式选择 Trypsin。